

Domaine : Sciences du vivant - **Thématique(s) :** Outils informatiques pour l'analyse de données biologiques
STAGES COURTS

GÉNOMIQUE DES POPULATIONS (ANALYSE DE DONNÉES POPULATIONNELLES) – OBI6

⌚ **Durée de la formation :** 28h

📅 **Dates :** Voir le calendrier

📍 **Lieu :** Campus Pierre et Marie Curie – Paris (Jussieu)

€ **Tarif :** Voir ci-dessous

Modalité : Distanciel Présentiel

Formation : Validation partielle

1 100 € (Sorbonne université est exonérée de TVA au titre de l'article 261-4-4° du code général des impôts)

OBJECTIFS

La formation a pour but de donner les bases nécessaires (concepts et outils informatiques associés) à l'analyse des polymorphismes moléculaires : données de séquences, polymorphismes (SNP et microsatellites) à l'échelle intraspécifique. Les analyses réalisées ont pour objectif d'inférer les processus évolutifs : histoire démographique des populations, flux de gènes, recherches de la trace de sélection dans les génomes.

Le contenu de la formation présente de manière théorique l'effet des forces fondamentales de la micro-évolution (dérive génétique, mutation, sélection et migration) sur les polymorphismes moléculaires. Des travaux pratiques réalisées sur des jeux de données réels analysés à l'aide de logiciels standards viennent appuyer la partie théorique. Ces TP permettent de discuter des résultats obtenus et des scénarios évolutifs inférés.

PUBLIC VISÉ ET PRÉ-REQUIS

Public

Biologistes (au sens large), chercheurs, ingénieurs ou techniciens

Pré-requis

Aucun

RESPONSABLE(S) PÉDAGOGIQUE



Cyril Gallut



Bernard Billoud

INFORMATIONS

Catégorie de l'action de développement des compétences : action de formation (article L6313-1 du Code du Travail)

Code FC : B214

Effectif minimal et maximal : 1 à 4.

Intégrés dans un groupe de 16 participants (doctorants, étudiants, stagiaires formation continue).

Session

DU 30/03/2026

AU 02/04/2026

CONTACT

✉ biosciences-fc@sorbonne-universite.fr

PROGRAMME

- Fondamentaux en génétique-génomique des populations.
- Utilisation éclairée de logiciels d'analyse de jeux de données populationnelles (polymorphismes génétiques) qui produisent des statistiques résumées et utilisent des simulateurs pour inférer (par ML, MCMC ou ABC) la structure génétique des populations et leur histoire démographique.

MODALITÉS D'ÉVALUATION

Certificat de réalisation

DÉBOUCHÉS

Lorem ipsum dolor sit amet, consectetur adipiscing elit, sed do eiusmod tempor incididunt ut labore et dolore magna aliqua.

CALENDRIER

Durée de la formation : 28h

Rythme : 4 jours successifs

SESSION

DU 30/03/2026

AU 02/04/2026

Campus Pierre et Marie Curie, 4 place Jussieu

– Paris 5ème Arrdt – Métro Jussieu

Inscription obligatoire au moins 2

mois avant la session.